

NOME DO(A) DISCENTE:

Jorge Mario Herrera Lopera

INSTITUIÇÃO DO ESTAGIO:

Centro Nacional de Pesquisa e Conservação de Mamíferos Carnívoros  
(CENAP) - Programa Nacional de Monitoramento da Biodiversidade -  
Programa Monitora ICMBio

SUPERVISOR DO ESTÁGIO:

Dr. Elildo A. R. Carvalho Jr, ICMBio/CENAP

NOME DO PROJETO:

Programa Monitora

OBJETIVOS DO ESTÁGIO:

Contribuir com a curadoria de dados do programa "Monitora", criando e modificando *scripts* em linguagem R.

DESCRIÇÃO DAS ATIVIDADES DESENVOLVIDAS, COM PARTICULAR ÊNFASE NA EXPERIÊNCIA DO ALUNO COM AS ATIVIDADES DE GESTÃO EM CONSERVAÇÃO DA BIODIVERSIDADE:

As atividades consistiram na revisão do código de algumas funções do pacote "MonitoraSSM" do ICMBio-Cenap em R <<https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM>>, relacionadas à curadoria de dados, bem como na geração de um novo código para otimizar a revisão das planilhas continuamente adicionadas, derivadas do monitoramento da fauna. Foram gerados cinco scripts (códigos) que facilitarão o processamento das informações e serão incorporados ao pacote Monitora SSM do ICMBio-Cenap.

DESCRIÇÃO DOS PRODUTOS DESENVOLVIDOS, INCLUINDO NOME, DESCRIÇÃO, FORMATO E DO NÍVEL DE DISPONIBILIDADE DE CADA PRODUTO:

*PRODUTO 1: corrigir\_nome\_UC.R*

*DESCRIÇÃO: script que permite corrigir o nome da unidade de conservação (UC) caso o nome esteja discordante com o código de cada unidade utilizado pelo ICMBio. Esse script trabalha sobre a lista de UCs e seus respectivos códigos para fazer uma revisão desses campos nas planilhas*

que precisam ser curadas. Em caso de discordância entre o nome da UC e o código da UC, o script atribui um novo nome de acordo com o código informado. A função está incluída no pacote *monitoraSSM* <[https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/corrigir\\_nome\\_uc.R](https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/corrigir_nome_uc.R)>.

*PRODUTO 2: corrigir\_tipografia.R*

*DESCRIÇÃO: A função é responsável pela correção de erros tipográficos na taxonomia dentro das planilhas. Ela é encarregada de verificar, por exemplo, se as letras maiúsculas e minúsculas são respeitadas na taxonomia dos registros, além de garantir que todas as espécies em nível de gênero (sp.) sejam destacadas da mesma forma na coluna *taxon\_validado*. Ele também executa uma validação do nível de identificação para cada registro de acordo com a identificação taxonômica de cada registro. A função está incluída no pacote *monitoraSSM* <[https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/corrigir\\_tipografia.R](https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/corrigir_tipografia.R)>.*

*PRODUTO 3: atualizar\_especies.R*

*DESCRIÇÃO: A função corrige os nomes das espécies (e gêneros) de acordo com o nome mais atual em <https://sbmz.org/mamiferos-do-brasil/> (para mamíferos) e <http://www.cbro.org.br/listas/> (para aves). Ela também gera um arquivo de observações adicional, no qual menciona se o nome original fornecido está atualizado, se foi modificado ou se não aparece na lista de sinônimos usada pela função. Isso permite a detecção de erros de digitação de espécies e também permite que o banco de dados de sinônimos seja mantido atualizado à medida que novas espécies são registradas. A função está incluída no pacote *monitoraSSM* <[https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/atualizar\\_especies.R](https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/atualizar_especies.R)>.*

*PRODUTO 4: atualizar\_categorias.R*

*DESCRIÇÃO: A função pega todos os gêneros (já revisados e gerados com a função anterior: *atualizar\_especies.R*) e atualiza adequadamente as categorias de família, ordem e classe, para garantir que toda a taxonomia coincida com o que é informado nos bancos de dados <https://sbmz.org/mamiferos-do-brasil/> (para mamíferos) e <http://www.cbro.org.br/listas/> (para aves). A função está incluída no pacote *monitoraSSM* <[https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/atualizar\\_categorias.R](https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM/blob/main/R/atualizar_categorias.R)>*

*PRODUTO 5: atribuir\_spp.R*

*DESCRIÇÃO: A função modifica os táxons validados com a categoria "sp." e atribui a eles um epíteto, caso apenas uma espécie desse gênero esteja registrada na UC. Ela também gera um arquivo de observação onde diz*

*quais modificações foram feitas e, se o nome não foi modificado, diz se isso não foi feito porque é um novo registro para a UC ou porque é possível atribuir mais de uma espécie. A função será incluída no pacote monitoraSSM <<https://github.com/ICMBio-CENAP/monitoraSSM>>*

PARECER DO(A) ORIENTADOR(A) DO ESTÁGIO SOBRE A QUALIDADE DAS ATIVIDADES E PRODUTOS DESENVOLVIDOS PELO(A) ESTAGIÁRIO(A):

Jorge Mario Herrera Lopera desenvolveu as atividades de estágio com brilhantismo, cumprindo a carga horária e entregando todos os produtos acordados. Estes produtos (scripts para curadoria de dados) ficaram excelentes já foram incorporados às rotinas de análise de dados do Programa Monitora.

*Mario Herrera Lopera*

Jorge Mario Herrera Lopera

Nome do(a) estagiário(a)

Número de matrícula: 202210192

*Elildo Jr*

Elildo Carvalho Jr

Nome do(a) supervisor(a)

(Analista ambiental/ICMBio - CENAP)

*[Assinatura]*

Orientador(a) PPGECB